

采贝

序号	产品名称	规格	数量
1	★超灵敏度新型冠状病毒全基因组捕获试剂盒（AUTO版）	样本量：24	17

2	DNA测序建库试剂盒(AUTO)	样本量：24	17
3	高通量基因测序芯片试剂盒 I （300 循环）	Reads数：1500 万条	14
4	高通量基因测序芯片试剂盒, II （300 循环 ）	Reads数：400 万条	20
5	自动化200ul透明滤芯吸头	96支/盒，24盒 /箱（不带枪架）	2
6	自动化200ul透明滤芯吸头（叠放）	96支/盒，24盒 /箱（带枪架）	2
7	2.2ml96孔方孔圆底板	50块/箱	1

8	0.2ml半裙边PCR96孔板	25块/盒	4
9	PCR产物回收磁珠（AUTO版）	4瓶/盒	10
10	0.2ml平盖八连管	125排/盒，10盒/箱	1
11	0.2ml平盖八连管盖	125排/盒，10盒/箱	1
12	超灵敏度呼吸道多病原全基因组探针杂交捕获建库试剂盒	样本量：24	1
13	超灵敏度甲型流感全基因组捕获试剂盒	样本量：24	1

14	超灵敏度肺炎支原体全基因组捕获试剂盒	样本量：24	1
15	核酸定量分析试剂盒	500反应	2
17	自动化辅助试剂板		1
18	超灵敏度乙型流感全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1
19	超灵敏度呼吸道合胞病毒A型全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1
20	超灵敏度呼吸道合胞病毒B型全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1

21	超灵敏度腺病毒全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1
22	超灵敏度人偏肺病毒全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1
23	超灵敏度猴痘病毒全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1

勾明细——技术参数

参数
1. 适用性：新型冠状病毒全基因组的扩增捕获，产物可用于后续高通量测序的建库，通过新一代高通量测序分析，准确发现新的变异，新的毒株、追踪病毒变异情况； 2. 样本量：24样本； 3. 灵敏度：仅需少量RNA（<0.5ng）； 4. 试剂形式：整合式试剂，可扩增得到新冠病毒全基因组； 5. 扩增子数目：≥40个； 6. 适用机型：兼容高通量测序平台； 7. 适合CT值≤33的新冠样本全，基因组捕获，捕获效率≥99%； 8. 可提供同厂家的新冠病毒分析软件，自动完成序列拼接、变异查找和生成系统进化树； 9. 试剂盒搭配同品牌软件分析，可所提供的新冠病毒分析软件应包含新冠病毒序列的录入、质控和分型；应标明序列数据在数据库中的存储位置便于查找、筛选和导出（按日期、型别、完整性等）；软件应能根据指定序列进行进化分析并提供图形化展示；软件应提供稳定的框架，方便后期加入新的功能模块； 10. 逆转录反应后反应体系≥20ul，扩增后最终反应体系≥50ul，（需提供原厂试剂说明书。） 11. 适用于NGS自动化文库制备系统；12. 包含不同长度的两组四对引物适用于不同的应用场景，长扩增子1200 bp左右, 短扩增子350-500bp 13. 既可以用于临床样本，也可以用于环境污水的检测 14. 可提供同厂家的新冠病毒环境污水分析软件，自动完成污水中变异位点的监测分析和新冠不同分支的丰度分析 15. 试剂盒量高出30% 16. 原管上机，无需试剂转移；

1, 适用性：病原微生物样本的高通量测序建库实验； 2，样本量：24； 3，灵敏度：低至1ng核酸； 4，试剂形式：预先混合的整合试剂，，减少移液等手工操作； 5，建库原理：转座酶切法建库，无需任何核酸打断设备； 6，适用机型：二代测序平台适用； 7，DNA片段化时间：5分钟内片段化DNA； 8，文库构建类型：涵盖小基因组、PCR扩增、质粒、微生物基因组、串联扩增子、双联cDNA和单细胞RNA-Seq等测序文库构建； 9，文库制备流程：标记基因组DNA、扩增、纯化、标准化、文库混合； 10，建库时间：2.5小时； 11、自带病原微生物样本的高通量测序序列标签； 12、Index数量：96； 13、适用于NGS自动化文库制备系统； 14、建库试剂量高出30%； 15、原管上机，无需试剂转移
1，，适用性：病原微生物样本的高通量测序实验；2，测序原理：边合成边测序；3，测序模式：自动化双端或自动化单端测序；4，测序读长：2*150bp；5，Reads数：1500万条；6、适用机型：主流二代的测序平台适用；7、测序数据质量：Q30（测序准确度在999.9%以上）
1，，适用性：病原微生物样本的高通量测序实验；2，测序原理：边合成边测序；3，测序模式：自动化双端或自动化单端测序；4，测序读长：2*150bp；5，Reads数：400万条；6、适用机型：主流二代的测序平台适用；7、测序数据质量：Q30（测序准确度在999.9%以上）
1、适用于NGS自动化文库制备系统； 2、吸头颜色是透明色，带滤芯； 3、容积范围：200ul 4、规格：96支/盒，24盒/箱，不带枪架
1、适用于NGS自动化文库制备系统； 2、吸头颜色是透明色，带滤芯； 3、容积范围：200ul 4、规格：96支/盒，24盒/箱，带枪架
1、适用于NGS自动化文库制备系统； 2、每个方孔专门设计具有独立的密封边缘，以防止交叉污染； 3、96孔板深孔板，形状是方孔圆底 4、单个孔体积：2.2ml 5、规格：50块/箱

1、具有光学透明裙边，有助于观察液体并改善自动处理系统的堆叠能力； 2、凸起边缘设计，提高孔表面积，以改善自动热封的密封完整性； 3、薄壁 U 形底孔，极佳的热传递和超高样品回收率； 4、材质：聚丙烯，孔容积（公制）：0.3 mL，孔数量：96，工作容积（公制）：0.2 mL；
用于全自动建库仪，做后续建库实验，规格5ml
1、透光率提高75%；2、用99.9%的纯净聚丙烯制造；
1、透光率提高75%；2、用99.9%的纯净聚丙烯制造；3、1 x 8条扁平PCR超透明薄壁盖设计,可以用于容纳8条PCR管和96孔PCR微孔板。为实时荧光PCR设计；
1. 适用性：多重病原体全基因组捕获建库实验； 2. 样本量：24 3. 原理：液态杂交探针捕获法； ▲4. 寡核苷酸杂交捕获——120bp叠瓦式寡核苷酸设计可完整覆盖每个基因组，实现WGS测序； 5. 一次实验即可获得19种病原的全基因组序列，探针捕获比非富集鸟枪宏基因组方法更具成本效益和敏感性； 6. 杂交捕获panel能够识别探针目标区域的变异，可以报告突变和密切相关的新型病毒变体； 7. 捕获的区段大，均一性好，兼容高通量测序平台； 8. 适用于多种样本类型： 鼻咽（NP）、口咽（OP）、废水、表面等； ▲9. 杂交时间短，仅4小时就可完成杂交； ▲10. 覆盖19种病原，冠状病毒（229E/HKU1/NL63/OC43）、肠病毒（A/B/C/D组）、流感病毒（甲/乙）、人腺病毒（B/C/D/E组）、博卡病毒、偏肺病毒、副流感病毒（1/2/3/4型）、鼻病毒（A/B/C）、腮腺炎病毒、麻疹病毒、风疹病毒、新冠病毒、合胞病毒、水痘带状疱疹病毒、SARS病毒、诺如病毒、登革热病毒、轮状病毒、星状病毒； 11. 设计多对DNA探针，探针稳定，不易降解 12. 适用机型：兼容高通量二代测序平台。
1, 适用性：甲型流感病毒样本的高通量测序建库实验；2，样本量：24；3，检测限：总核酸起始量低至1ng核酸；4，试剂形式：整合试剂，涵盖全基因组基因组；5，建库原理：酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6，适用机型：兼容高通量测序平台；7，经过科研机构验证，有五篇以上科研论文引用验证。8. 捕获和扩增为合一体系一个pcr流程即可完成逆转录和扩增。9. 扩增子长度800-2000bp，适合多种测序平台；

1. 适用性：肺炎支原体全基因组的扩增捕获，产物可用于后续高通量测序的建库，通过新一代高通量测序分析，准确发现新的变异，新的毒株、追踪病毒变异情况；
2. 样本量：8；
3. 灵敏度：低至1ng核酸；
4. 试剂形式：整合试剂，本试剂盒覆盖肺炎支原体全基因组的所有基因片段，包括P1、P2、P3、P4、P5等区域。
5. 适用机型：兼容高通量测序平台。
6. 样本类型：呼吸道标本包括鼻咽拭子、深咳痰液、肺泡灌洗液、肺组织活检标本等，以上标本经核酸提取后用于后续操作；
7. 操作时间：≤2小时；
8. 实验操作原理：多重PCR；
9. 实验流程：包括反应体系配置、PCR反应。
10. 捕获特异性：通过肺炎支原体的特异性引物设计，确保在复杂的样品中能够准确捕获目标病毒的全基因组序列，而不受其他病毒或污染物的干扰。
11. 全面的PCR反应体系，包括引物酶等，还包含了其他必要的试剂和缓冲液，确保PCR反应的稳定性和可靠性。

1、96孔深孔板(带盖)；
2、辅助性试剂，预封装有PCR级无酶水，洗脱液，封闭油，醇；
3、规格：1板/包，5块/包；50块/箱；
4、主要用于测序自动化建库环节，提供测序建库辅助试剂，不需要人工配制分装等，减少人工，便于自动化操作，使整个流程更方便、高效；

1, 适用性：乙型流感病毒样本的高通量测序建库实验；2，样本量：24；3，检测限：总核酸起始量低至1ng核酸；4，试剂形式：整合试剂，涵盖全基因组基因组；5，建库原理：酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6，适用机型：兼容高通量测序平台；7，经过科研机构验证，有五篇以上科研论文引用验证，8. 捕获和扩增为合一体系一个pcr流程即可完成逆转录和扩增。9. 扩增子长度600bp，适合多种测序平台；

1, 适用性：呼吸道合胞病毒A型样本的高通量测序建库实验；2，样本量：24；3，灵敏度：低至1ng核酸；4，试剂形式：整合试剂，涵盖全基因组基因组；5，建库原理：酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6，适用机型：兼容高通量测序平台；

1, 适用性：呼吸道合胞病毒B型样本的高通量测序建库实验；2，样本量：24；3，灵敏度：低至1ng核酸；4，试剂形式：整合试剂，涵盖全基因组基因组；5，建库原理：酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6，适用机型：兼容高通量测序平台；

1, 适用性：腺病毒样本的高通量测序建库实验；2，样本量：24；3，灵敏度：低至1ng核酸；4，试剂形式：整合试剂，涵盖腺病毒BCE三组全基因组；▲5，包含亚型1、2、3、4、7、11、55；6，适用机型：兼容高通量测序平台；7、包含不同长度的三组六对引物，扩增子长度800-1200 bp；8、样本类型：呼吸道标本包括鼻咽拭子、深咳痰液、肺泡灌洗液、肺组织活检标本等，以上标本经核酸提取后用于全基因组；9. 实验流程：包括反应体系配置、RT-PCR反应，捕获扩增时间1小时。

10. 捕获特异性：通过腺病毒的特异性引物设计，确保在复杂的样品中能够准确捕获目标病毒的全基因组序列，而不受其他病毒或污染物的干扰。

11. 全面的PCR反应体系，包括引物酶等，还包含了其他必要的试剂和缓冲液，确保PCR反应的稳定性和可靠性。

12. 完善的产品可追溯体系，对生产过程中的每一步进行记录和监控，以确保产品质量的一致性和可追溯性。

1. 适用性：人偏肺病毒全基因组的扩增捕获，产物可用于后续高通量测序的建库，通过新一代高通量测序分析，准确发现新的变异，新的毒株、追踪病毒变异情况；

2. 样本量：24；

3. 灵敏度：低至1ng核酸；

4. 试剂形式：整合试剂，涵盖人偏肺病毒全基因组

5. 适用机型：兼容高通量测序平台。

6. 样本类型：呼吸道标本包括鼻咽拭子、深咳痰液、肺泡灌洗液、肺组织活检标本等，以上标本经核酸提取后用于后续操作；

7. 操作时间：≤2小时；

8. 实验操作原理：多重PCR；

9. 实验流程：包括反应体系配置、RT-PCR反应。

10. 捕获特异性：通过人偏肺病毒的特异性引物设计，确保在复杂的样品中能够准确捕获目标病毒的全基因组序列，而不受其他病毒或污染物的干扰。

11. 全面的PCR反应体系，包括引物酶等，还包含了其他必要的试剂和缓冲液，确保PCR反应的稳定性和可靠性。

12. 完善的产品可追溯体系，对生产过程中的每一步进行记录和监控，以确保产品质量的一致性和可追溯性。

1, 适用性：猴痘病毒（MPXV）样本的高通量测序建库实验；2，样本量：24；3，灵敏度：低至1ng核酸；4，试剂形式：整合试剂，涵盖猴痘病毒全基因组；▲5，适用机型：兼容高通量测序平台；