

采购明细——技术参数

序号	产品名称	规格	数量	参数
1	★超灵敏度新型冠状病毒全基因组捕获试剂盒（AUTO版）	样本量：24	17	<p>1. 适用性：新型冠状病毒全基因组的扩增捕获，产物可用于后续高通量测序的建库，通过新一代高通量测序分析，准确发现新的变异，新的毒株、追踪病毒变异情况；</p> <p>2. 样本量：24样本；</p> <p>3. 灵敏度：仅需少量RNA（&lt;0.5ng）；</p> <p>4. 试剂形式：整合式试剂，可扩增得到新冠病毒全基因组；</p> <p>5. 扩增子数目：≥40个；</p> <p>6. 适用机型：兼容高通量测序平台；</p> <p>7. 适合CT值≤33的新冠样本全，基因组捕获，捕获效率≥99%；</p> <p>8. 可提供同厂家的新冠病毒分析软件，自动完成序列拼接、变异查找和生成系统进化树；</p> <p>9. 试剂盒搭配同品牌软件分析，可所提供的新冠病毒分析软件应包含新冠病毒序列的录入、质控和分型；应标明序列数据在数据库中的存储位置便于查找、筛选和导出（按日期、型别、完整性等）；软件应根据指定序列进行进化分析并提供图形化展示；软件应提供稳定的框架，方便后期加入新的功能模块；</p> <p>10. 逆转录反应后反应体系≥20ul，扩增后最终反应体系≥50ul，（需提供原厂试剂说明书。）</p> <p>11. 适用于NGS自动化文库制备系统；12. 包含不同长度的两组四对引物适用于不同的应用场景，长扩增子1200 bp左右，短扩增子350-500bp</p> <p>13. 既可以用于临床样本，也可以用于环境污水的检测</p> <p>14. 可提供同厂家的新冠病毒环境污水分析软件，自动完成污水中变异位点的监测分析和新冠不同分支的丰度分析</p> <p>15. 试剂盒量高出30%</p>

2	DNA测序建库试剂盒(AUTO)	样本量: 24	17	<p>1, 适用性: 病原微生物样本的高通量测序建库实验;</p> <p>2, 样本量: 24;</p> <p>3, 灵敏度: 低至1ng核酸;</p> <p>4, 试剂形式: 预先混合的整合试剂, , 减少移液等手工操作;</p> <p>5, 建库原理: 转座酶切法建库, 无需任何核酸打断设备;</p> <p>6, 适用机型: 二代测序平台适用;</p> <p>7, DNA片段化时间: 5分钟内片段化DNA;</p> <p>8, 文库构建类型: 涵盖小基因组、PCR扩增、质粒、微生物基因组、串联扩增子、双联cDNA和单细胞RNA-Seq等测序文库构建;</p> <p>9, 文库制备流程: 标记基因组DNA、扩增、纯化、标准化、文库混合;</p> <p>10, 建库时间: 2.5小时;</p> <p>11、自带病原微生物样本的高通量测序序列标签;</p> <p>12、Index数量: 96;</p> <p>13、适用于NGS自动化文库制备系统;</p> <p>14、建库试剂量高出30%;</p> <p>15、原管上机, 无需试剂转移</p>
3	高通量基因测序芯片试剂盒 I (300 循环)	Reads数: 1500 万条	14	<p>1, 适用性: 病原微生物样本的高通量测序实验; 2, 测序原理: 边合成边测序;</p> <p>3, 测序模式: 自动化双端或自动化单端测序; 4, 测序读长: 2*150bp; 5, Reads数: 1500万条; 6、适用机型: 主流二代的测序平台适用; 7、测序数据质量: Q30 (测序准确度在999.9%以上)</p>
4	高通量基因测序芯片试剂盒, II (300 循环)	Reads数: 400 万条	20	<p>1, 适用性: 病原微生物样本的高通量测序实验; 2, 测序原理: 边合成边测序;</p> <p>3, 测序模式: 自动化双端或自动化单端测序; 4, 测序读长: 2*150bp; 5, Reads数: 400万条; 6、适用机型: 主流二代的测序平台适用; 7、测序数据质量: Q30 (测序准确度在999.9%以上)</p>
5	自动化200ul透明滤芯吸头	96支/盒, 24盒/箱 (不带枪架)	2	<p>1、适用于NGS自动化文库制备系统;</p> <p>2、吸头颜色是透明色, 带滤芯;</p> <p>3、容积范围: 200ul</p> <p>4、规格: 96支/盒, 24盒/箱, 不带枪架</p>
6	自动化200ul透明滤芯吸头 (叠放)	96支/盒, 24盒/箱 (带枪架)	2	<p>1、适用于NGS自动化文库制备系统;</p> <p>2、吸头颜色是透明色, 带滤芯;</p> <p>3、容积范围: 200ul</p> <p>4、规格: 96支/盒, 24盒/箱, 带枪架</p>
7	2.2ml96孔方孔圆底板	50块/箱	1	<p>1、适用于NGS自动化文库制备系统;</p> <p>2、每个方孔专门设计具有独立的密封边缘, 以防止交叉污染;</p> <p>3、96孔板深孔板, 形状是方孔圆底</p> <p>4、单个孔体积: 2.2ml</p> <p>5、规格: 50块/箱</p>

8	0.2ml半裙边PCR96孔板	25块/盒	4	1、具有光学透明裙边，有助于观察液体并改善自动处理系统的堆叠能力； 2、凸起边缘设计，提高孔表面积，以改善自动热封的密封完整性； 3、薄壁 U 形底孔，极佳的热传递和超高样品回收率； 4、材质：聚丙烯，孔容积（公制）：0.3 mL，孔数量：96，工作容积（公制）：0.2 mL；
9	PCR产物回收磁珠（AUTO版）	4瓶/盒	10	用于全自动建库仪，做后续建库实验，规格5ml
10	0.2ml平盖八连管	125排/盒，10盒/箱	1	1、透光率提高75%；2、用99.9%的纯净聚丙烯制造；
11	0.2ml平盖八连管盖	125排/盒，10盒/箱	1	1、透光率提高75%；2、用99.9%的纯净聚丙烯制造；3、1 x 8条扁平PCR超透明薄壁盖设计，可以用于容纳8条PCR管和96孔PCR微孔板。为实时荧光PCR设计；
12	超灵敏度呼吸道多病原全基因组探针杂交捕获建库试剂盒	样本量：24	1	1. 适用性：多重病原体全基因组捕获建库实验； 2. 样本量：24 3. 原理：液态杂交探针捕获法； ▲4. 寡核苷酸杂交捕获——120bp叠瓦式寡核苷酸设计可完整覆盖每个基因组，实现WGS测序； 5. 一次实验即可获得19种病原的全基因组序列，探针捕获比非富集鸟枪宏基因组方法更具成本效益和敏感性； 6. 杂交捕获panel能够识别探针目标区域的变异，可以报告突变和密切相关的新型病毒变体； 7. 捕获的区段大，均一性好，兼容高通量测序平台； 8. 适用于多种样本类型：鼻咽（NP）、口咽（OP）、废水、表面等； ▲9. 杂交时间短，仅4小时就可完成杂交； ▲10. 覆盖19种病原，冠状病毒（229E/HKU1/NL63/OC43）、肠病毒（A/B/C/D组）、流感病毒（甲/乙）、人腺病毒（B/C/D/E组）、博卡病毒、偏肺病毒、副流感病毒（1/2/3/4型）、鼻病毒（A/B/C）、腮腺炎病毒、麻疹病毒、风疹病毒、新冠病毒、合胞病毒、水痘带状疱疹病毒、SARS病毒、诺如病毒、登革热病毒、轮状病毒、星状病毒； 11. 设计多对DNA探针，探针稳定，不易降解 12. 适用机型：兼容高通量二代测序平台。
13	超灵敏度甲型流感全基因组捕获试剂盒	样本量：24	1	1, 适用性：甲型流感病毒样本的高通量测序建库实验；2, 样本量：24；3, 检测限：总核酸起始量低至1ng核酸；4, 试剂形式：整合试剂，涵盖全基因组基因组；5, 建库原理：酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6, 适用机型：兼容高通量测序平台；7, 经过科研机构验证，有五篇以上科研论文引用验证。8. 捕获和扩增为合一体系一个pcr流程即可完成逆转录和扩增。9. 扩增子长度800-2000bp，适

14	超灵敏度肺炎支原体全基因组捕获试剂盒	样本量：24	1	<p>1. 适用性：肺炎支原体全基因组的扩增捕获，产物可用于后续高通量测序的建库，通过新一代高通量测序分析，准确发现新的变异，新的毒株、追踪病毒变异情况；</p> <p>2. 样本量：8；</p> <p>3. 灵敏度：低至1ng核酸；</p> <p>4. 试剂形式：整合试剂，本试剂盒覆盖肺炎支原体全基因组的所有基因片段，包括P1、P2、P3、P4、P5等区域。</p> <p>5. 适用机型：兼容高通量测序平台。</p> <p>6. 样本类型：呼吸道标本包括鼻咽拭子、深咳痰液、肺泡灌洗液、肺组织活检标本等，以上标本经核酸提取后用于后续操作；</p> <p>7. 操作时间：≤2小时；</p> <p>8. 实验操作原理：多重PCR；</p> <p>9. 实验流程：包括反应体系配置、PCR反应。</p> <p>10. 捕获特异性：通过肺炎支原体的特异性引物设计，确保在复杂的样品中能够准确捕获目标病毒的全基因组序列，而不受其他病毒或污染物的干扰。</p> <p>11. 全面的PCR反应体系，包括引物酶等，还包含了其他必要的试剂和缓冲液，确保PCR反应的稳定性和可靠性。</p>
15	核酸定量分析试剂盒	500反应	2	
17	自动化辅助试剂板		1	<p>1、96孔深孔板(带盖)；</p> <p>2、辅助性试剂，预封装有PCR级无酶水，洗脱液，封闭油，醇；</p> <p>3、规格：1板/包，5块/包；50块/箱；</p> <p>4、主要用于测序自动化建库环节，提供测序建库辅助试剂，不需要人工配制分装等，减少人工，便于自动化操作，使整个流程更方便、高效；</p>
18	超灵敏度乙型流感全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1	<p>1, 适用性：乙型流感病毒样本的高通量测序建库实验；2, 样本量：24；3, 检测限：总核酸起始量低至1ng核酸；4, 试剂形式：整合试剂，涵盖全基因组基因组；5, 建库原理：酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6, 适用机型：兼容高通量测序平台；7, 经过科研机构验证，有五篇以上科研论文引用验证，8. 捕获和扩增为合一体系一个pcr流程即可完成逆转录和扩增。9. 扩增子长度600bp，适合多种</p>
19	超灵敏度呼吸道合胞病毒A型全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1	<p>1, 适用性：呼吸道合胞病毒A型样本的高通量测序建库实验；2, 样本量：24；3, 灵敏度：低至1ng核酸；4, 试剂形式：整合试剂，涵盖全基因组基因组；5, 建库原理：酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6, 适用机型：兼容高通量测序平</p>
20	超灵敏度呼吸道合胞病毒B型全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1	<p>1, 适用性：呼吸道合胞病毒B型样本的高通量测序建库实验；2, 样本量：24；3, 灵敏度：低至1ng核酸；4, 试剂形式：整合试剂，涵盖全基因组基因组；5, 建库原理：酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6, 适用机型：兼容高通量测序平</p>

21	超灵敏度腺病毒全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1	<p>1, 适用性: 腺病毒样本的高通量测序建库实验; 2, 样本量: 24; 3, 灵敏度: 低至1ng核酸; 4, 试剂形式: 整合试剂, 涵盖腺病毒BCE三组全基因组; ▲5, 包含亚型1、2、3、4、7、11、55; 6, 适用机型: 兼容高通量测序平台; 7、包含不同长度的三组六对引物, 扩增子长度800-1200 bp; 8、样本类型: 呼吸道标本包括鼻咽拭子、深咳痰液、肺泡灌洗液、肺组织活检标本等, 以上标本经核酸提取后用于全基因组; 9. 实验流程: 包括反应体系配置、RT-PCR反应, 捕获扩增时间1小时。</p> <p>10. 捕获特异性: 通过腺病毒的特异性引物设计, 确保在复杂的样品中能够准确捕获目标病毒的全基因组序列, 而不受其他病毒或污染物的干扰。</p> <p>11. 全面的PCR反应体系, 包括引物酶等, 还包含了其他必要的试剂和缓冲液, 确保PCR反应的稳定性和可靠性。</p> <p>12. 完善的产品可追溯体系, 对生产过程中的每一步进行记录和监控, 以确保产品质量的一致性和可追溯性。</p>
22	超灵敏度人偏肺病毒全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1	<p>1. 适用性: 人偏肺病毒全基因组的扩增捕获, 产物可用于后续高通量测序的建库, 通过新一代高通量测序分析, 准确发现新的变异, 新的毒株、追踪病毒变异情况;</p> <p>2. 样本量: 24;</p> <p>3. 灵敏度: 低至1ng核酸;</p> <p>4. 试剂形式: 整合试剂, 涵盖人偏肺病毒全基因组</p> <p>5. 适用机型: 兼容高通量测序平台。</p> <p>6. 样本类型: 呼吸道标本包括鼻咽拭子、深咳痰液、肺泡灌洗液、肺组织活检标本等, 以上标本经核酸提取后用于后续操作;</p> <p>7. 操作时间: ≤2小时;</p> <p>8. 实验操作原理: 多重PCR;</p> <p>9. 实验流程: 包括反应体系配置、RT-PCR反应。</p> <p>10. 捕获特异性: 通过人偏肺病毒的特异性引物设计, 确保在复杂的样品中能够准确捕获目标病毒的全基因组序列, 而不受其他病毒或污染物的干扰。</p> <p>11. 全面的PCR反应体系, 包括引物酶等, 还包含了其他必要的试剂和缓冲液, 确保PCR反应的稳定性和可靠性。</p> <p>12. 完善的产品可追溯体系, 对生产过程中的每一步进行记录和监控, 以确保产品质量的一致性和可追溯性。</p>
23	超灵敏度猴痘病毒全基因组捕获试剂盒	(24人份)	1	<p>1, 适用性: 猴痘病毒 (MPXV) 样本的高通量测序建库实验; 2, 样本量: 24; 3, 灵敏度: 低至1ng核酸; 4, 试剂形式: 整合试剂, 涵盖猴痘病毒全基因组; ▲5, 适用机型: 兼容高通量测序平台;</p>