

| 序号 | 名称 | 数量 | 计量单位 | 规格型号 | 备注 | 单价 | 预算 |
|----|------------------------|----|------|-------------|---|-------|-------|
| 1 | DNA测序建库试剂盒（24 samples） | 1 | 盒 | 24/盒 | 1. 适用性：病原微生物样本的高通量测序建库实验；2. 样本量：24；3. 灵敏度：低至1ng核酸；4. 试剂形式：预先混合的整合试剂，减少移液等手工操作；5. 建库原理：转座酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6. 适用机型：二代测序平台适用；7. DNA片段化时间：5分钟内片段化DNA；8. 文库构建类型：涵盖小基因组、PCR扩增、质粒、微生物基因组、串联扩增子、双联cDNA和单细胞RNA-Seq等测序文库构建；9. 文库制备流程：标记基因组DNA、扩增、纯化、标准化、文库混合；10. 建库时间：2.5小时；11. 自带病原微生物样本的高通量测序序列标签；12. Index数量：24；13. 试剂盒组分齐全，包含RNA 逆转录试剂、cDNA 双链合成、纯化磁珠、特异性标签及文库制备所需的所有试剂；14. 该方案支持多种公共卫生研究应用，包括追踪病原体的进化和传播、检测变异、对病原体株系进行分类、识别微生物耐药性标志物等；15. 完善的产品可追溯体系，对生产过程中的每一步进行记录和监控，以确保每批次组分质量的一致性和可追溯性（需提供原厂试剂组分标签）。 | 15120 | 15120 |
| 2 | 高通量基因测序芯片试剂盒（300 循环） | 5 | 套 | 300cycles/套 | 1. 适用性：病原微生物样本的高通量测序实验；2. 测序原理：边合成边测序；3. 测序模式：自动化双端或自动化单端测序；4. 测序读长：2*150bp；5. Reads数：400万条；6. 适用机型：适用于市面上主流的二代测序仪，支持桥式PCR扩增原理，兼容标准Flow Cell；配套上机检测无兼容性故障，如无法兼容或使用，需根据实验室要求进行调换；7. 测序数据质量：Q30（测序准确度在99.99%以上） | 18152 | 90760 |

| | | | | | | | |
|---|----------------------|---|---|--------------------------|---|-------|-------|
| 3 | 超灵敏度未知病原捕获建库试剂盒（8人份） | 1 | 盒 | 8T/盒 （宏测试剂盒，包含了建库试剂盒） | 1. 适用性：任意未知病原体生物样本的高通量测序建库实验； 2. 样本量：8； 3. 灵敏度：低至500pg核酸； 4. 投入量较广500pg-1000ng左右（DNA和RNA总加在一起总投入量）无需定量； 5. 打断方式为酶切杂链打断，可对样本中的RNA与DNA杂化双链直接进行接头连接； 6. 试剂形式：整合试剂，涵盖所有病毒全基因组； 7. 一步酶促反应实现DNA片段化、末端修复和接头连接反应等多个步骤转变为； 8. 适用机型：兼容高通量测序平台； 9. 全实验流程时间≤3.5小时，cDNA合成时间≤30min； 10. 可用于从微生物培养物、鼻咽拭子、皮肤拭子、鼻拭子、废水样本等多种来源提取的RNA或DNA。 11. 试剂盒组分齐全，包含RNA 反转录、cDNA 双链合成、基因组扩增和文库制备所需的所有试剂。 12. 文库构建仅需1步PCR实现标签序列添加和文库扩增。 13. 可用同品牌的分析软件做数据分析或第三方软件进行数据处理； | 16800 | 16800 |
| 4 | PCR产物回收磁珠 | 1 | 盒 | 5ml/盒 | 基因测序专用试剂耗材；适用于所有PCR扩增产物回收和纯化，用于后续建库实验 | 1500 | 1500 |
| 5 | 核酸定量分析试剂盒 | 1 | 盒 | | 1. 检测：1X dsDNA，高灵敏度，dsDNA定量试剂盒（250ml，500Assays，带低值和高值质控品）；2. 定量范围：0.1 至 120 ng；3. 与市面上主流核酸定量设备配套使用，配套上机检测无兼容性故障，保证检测数据的准确性，如无法兼容或使用，需根据实验室要求进行调换。 | 4300 | 4300 |
| 6 | 核酸定量分析管 | 1 | 盒 | | 分析管（非八连排），500只/袋，用于核酸定量监测，对核酸不能有影响，与市面上主流核酸定量设备配套使用，配套上机检测无兼容性故障，如无法兼容或使用，需根据实验室要求进行调换。 | 1260 | 1260 |

| | | | | | | | |
|---|--------------------------|---|---|-------|---|-------|-------|
| 7 | 超灵敏度新型冠状病毒全基因组捕获试剂盒（低载量） | 3 | 盒 | 24T/盒 | <p>1. 适用性：新型冠状病毒全基因组的扩增捕获，产物可用于后续高通量测序的建库，通过新一代高通量测序分析，准确发现新的变异，新的毒株、追踪病毒变异情况；</p> <p>2. 包装规格：24样本/盒，整合式试剂，可扩增得到新冠病毒全基因组；</p> <p>3. 灵敏度：样本（RNA）起始量可$<0.5\text{ng}$；（需提供制造商官方证明材料）</p> <p>5. 具有叠瓦式双套引物池，包括一套1200bp的长片段引物和一套400bp的短片段引物；扩增子数目：≥ 40个；</p> <p>6. 适用机型：兼容高通量测序平台；</p> <p>7. 适合CT值≤ 33的新冠样本全，基因组捕获，捕获效率$\geq 99\%$；（需提供制造商官方证明材料）</p> <p>8. 拥有国家专利局专利证书；</p> <p>9. 可提供同厂家的新冠病毒分析软件，自动完成序列拼接、变异查找和生成系统进化树；</p> <p>10. 试剂盒可搭配同品牌分析软件，可所提供的新冠病毒分析软件应包含新冠病毒序列的录入、质控和分型；应标明序列数据在数据库中的存储位置便于查找、筛选和导出（按日期、型别、完整性等）；软件应根据指定序列进行进化分析并提供图形化展示；软件应提供稳定的框架，方便后期加入新的功能模块；</p> <p>11. 经过科研机构验证，有十篇以上科研论文引用验证；（提供论文全文）</p> <p>12. 逆转录反应后反应体系$\geq 20\mu\text{l}$，逆转录操作整体时长$\leq 25\text{min}$，扩增后最终反应体系$\geq 50\mu\text{l}$，（需提供原厂试剂说明书）；</p> <p>13. 各个组分采用透明标签以帮助客户更好的观察液面高度；（需要提供实物照片，并提供制造商官方证明材料）</p> <p>14. 既可以用于临床样本，也可以用于环境污水的检测</p> <p>15. 可提供同厂家的新冠病毒环境污水分析软件，自动完成污水中变异位点的监测分析和新冠不同分支的丰度分析；</p> <p>16. 完善的产品可追溯体系，对生产过程中的每一步进行记录和监控，以确保每批次组分质量的一致性和可追溯性。（需提供制造商官方证明材料）</p> <p>17. 不含任何对人体有伤害或者造成过敏的试剂组分（如染料）。</p> | 24100 | 72300 |
|---|--------------------------|---|---|-------|---|-------|-------|

| | | | | | | | |
|----|------------------------------|----|---|-------------|---|-------|--------|
| 8 | DNA测序建库试剂盒（24 samples） | 15 | 盒 | 24/盒 | 1. 适用性：病原微生物样本的高通量测序建库实验；2. 样本量：24；3. 灵敏度：低至1ng 核酸；4. 试剂形式：预先混合的整合试剂，，减少移液等手工操作；5. 建库原理：转座酶切法建库，无需任何核酸打断设备；6. 适用机型：二代测序平台适用；7. DNA片段化时间：5分钟内片段化DNA；8. 文库构建类型：涵盖小基因组、PCR扩增、质粒、微生物基因组、串联扩增子、双联cDNA和单细胞RNA-Seq等测序文库构建；9. 文库制备流程：标记基因组DNA、扩增、纯化、标准化、文库混合；10. 建库时间：2.5小时；11. 自带病原微生物样本的高通量测序序列标签；12. Index数量：24；13.*试剂盒组分齐全，包含RNA 逆转录试剂、cDNA 双链合成、纯化磁珠、特异性标签及文库制备所需的所有试剂；14. 该方案支持多种公共卫生研究应用，包括追踪病原体的进化和传播、检测变异、对病原体株系进行分类、识别微生物耐药性标志物等；15. 完善的产品可追溯体系，对生产过程中的每一步进行记录和监控，以确保每批次组分质量的一致性和可追溯性（需提供原厂试剂组分标签）。 | 15120 | 226800 |
| 9 | 高通量基因测序芯片试剂盒（300 循环） | 28 | 套 | 300cycles/套 | 1. 适用性：病原微生物样本的高通量测序实验；2. 测序原理：边合成边测序；3. 测序模式：自动化双端或自动化单端测序；4. 测序读长：2*150bp；5. Reads数：400万条；6. 适用机型：6、适用机型：适用于市面上主流的二代测序仪，支持桥式PCR扩增原理，兼容标准Flow Cell；配套上机检测无兼容性故障，如无法兼容或使用，需根据实验室要求进行调换；7. 测序数据质量：Q30（测序准确度在99.99%以上）。 | 18153 | 508284 |
| 10 | 测序上机标准品（Phix control v3 kit） | 2 | 盒 | 1支/盒 | 质控品，基因测序专用；适用于市面主流二代测序仪，与建库和上机的盒子配套使用，如无法正常使用，需调换 | 3000 | 6000 |

| | | | | | | | |
|----|--------------------------|----|---|-------|---|-------|--------|
| 11 | 超灵敏度新型冠状病毒全基因组捕获试剂盒（低载量） | 16 | 盒 | 24T/盒 | <p>1. 适用性：新型冠状病毒全基因组的扩增捕获，产物可用于后续高通量测序的建库，通过新一代高通量测序分析，准确发现新的变异，新的毒株、追踪病毒变异情况；</p> <p>2. 包装规格：24样本/盒，整合式试剂，可扩增得到新冠病毒全基因组；</p> <p>3. 灵敏度：样本（RNA）起始量可$\leq 0.5\text{ng}$；（需提供制造商官方证明材料）</p> <p>5. 具有叠瓦式双套引物池，包括一套1200bp的长片段引物和一套400bp的短片段引物；扩增子数目：≥ 40个；</p> <p>6. 适用机型：兼容高通量测序平台；</p> <p>7. 适合CT值≤ 33的新冠样本全，基因组捕获，捕获效率$\geq 99\%$；（需提供制造商官方证明材料）</p> <p>8. 拥有国家专利局专利证书；</p> <p>9. 可提供同厂家的新冠病毒分析软件，自动完成序列拼接、变异查找和生成系统进化树；</p> <p>10. 试剂盒可搭配同品牌分析软件，可所提供的新冠病毒分析软件应包含新冠病毒序列的录入、质控和分型；应标明序列数据在数据库中的存储位置便于查找、筛选和导出（按日期、型别、完整性等）；软件应根据指定序列进行进化分析并提供图形化展示；软件应提供稳定的框架，方便后期加入新的功能模块；</p> <p>11. 经过科研机构验证，有十篇以上科研论文引用验证；（提供论文全文）</p> <p>12. 逆转录反应后反应体系$\geq 20\mu\text{l}$，逆转录操作整体时长$\leq 25\text{min}$，扩增后每对引物的最终反应体系$\geq 50\mu\text{l}$，（需提供原厂试剂说明书）；</p> <p>13. 各个组分采用透明标签以帮助客户更好的观察液面高度；（需要提供实物照片，并提供制造商官方证明材料）</p> <p>14. 既可以用于临床样本，也可以用于环境污水的检测</p> <p>15. 可提供同厂家的新冠病毒环境污水分析软件，自动完成污水中变异位点的监测分析和新冠不同分支的丰度分析；</p> <p>16. 完善的产品可追溯体系，对生产过程中的每一步进行记录和监控，以确保每批次组分质量的一致性和可追溯性。</p> <p>17. 不含任何对人体有伤害或者造成过敏的试剂组分（如染料）。</p> | 24100 | 385600 |
| 12 | PCR产物回收磁珠 | 15 | 盒 | 5ml/盒 | 基因测序专用试剂耗材；适用于所有PCR扩增产物回收和纯化，用于后续建库实验 | 1500 | 22500 |